

Porteurs du projet : Myriam HARRY, Antoine BRANCA, Anne GENISSEL

EGCE CNRS-IRD- Univ Paris Sud, ESE CNRS-Univ Paris Sud, AgroParisTech,
BIOGER INRA-AgroParisTach

Objectifs



- Réseau technique et de recherche portant sur l'utilisation des nouvelles approches de séquençage à haut débit
- En appui à l'étude des processus adaptatifs des organismes face aux changements globaux



- rassembler la communauté BASC utilisant ou souhaitant utiliser ces techniques
- informer et s'informer sur ces nouvelles techniques en faisant partager son savoir-faire aux autres membres de la communauté

Les HTS

- **Applications** : dans différents domaines de la biologie, notamment liés à l'étude de l'environnement et de son évolution en termes de biodiversité ou de fonctionnement des écosystèmes

- **Molécules ciblées** : ADN, ARN, Protéines, Métabolites

- **Modèles** : tous les types d'organismes (virus, archées, bactéries, champignons, animaux, végétaux)

- **Echelles d'étude** : toutes les échelles (individus, populations, communautés, peuplements, écosystèmes).

Drowned in next generation sequencing data



454
MiSeq
RNAseq

HiSeq
Ion PGM
SOLiD

Chip



Actions du réseau

Veille technologique : 2/an, exposés sur de nouvelles technologies, débats scientifiques autour d'articles ...

Ateliers : 4/an sur une ½ journée, comment, est-ce que et si ... (analyse de données, de résultats, problèmes méthodologiques rencontrés)

Symposium : 1/an sur une journée

Appel d'offre : bourses colloques (étudiants)

Actions 2014-2015 :

- Présentation des plateformes HTS de la région parisienne par leur responsables
- Symposium ADEFACE 1 (Adaptation des eucaryotes face aux changements environnementaux)
- Ateliers RNA seq

Actions 2016-2017

- Symposium ADEFACE 2
- Ateliers RNA seq, Expression différentielle, planification expérimentale RNA seq ...

INSCRIVEZ-VOUS !

Reprise du réseau Septembre 2017, contact : myriam.harry@egce.cnrs-gif.fr